

A B	+105	GTGTGCCCGTCTG +117	(SEQ ID NO:1) (SEQ ID NO:2)
A B		TTGTGTGACTCTG +130	
A B	+131	GTAACTAGAGATC +143 .C.GA.	

FIG. 2

A B	+105	GTGTGCCCGTCTG +117	( SEQ ID NO:1)
A B	+118	TTGTGTGACTCTG +130	
A B	+131	GTAACTAGAGATC +143	

FIG. 2